采购专家论证意见表

时间：2025年 9月 9日

一级预算单位	青海大学
使用单位	青海大学高原医学研究中心
项目名称	慢性高原低氧应激损伤机制与干预措施研究
采购内容	40 例 Cyclone 长读长全基因组，含核酸提取，目标数据量：100G/例； 60 例 DNBSEQ 短读长全基因组，含核酸提取，目标数据量：30G/例；
项目金额	484,206 元
专家论证意见	专家1: 项目基于多组学数据进行分析，数据量庞大、关联性复杂，需要具有完备知识基础和强大分析能力。华大基因具备丰富的多组学分析经验，已连续多年成为亚太生命科学产业机构第一名，发表文章超过3500余篇，在西藏人群高原适应性、高原环境下生理状态研究等相关方向取得丰硕成果（Science, 329: 75-8； Nature, 512: 194-197； Cell reports 44, 115134)，对高原环境下疾病或遗传适应性有充足的知识背景，可以为项目组提供分析能力和知识背景上的有力保障。 专家姓名：杨生东 工作单位：青海大学医学院

扫描全能王 创建

	专家 2:项目组将基于长读长、短读长多组学数据进行慢性高原疾病遗传机制研究。华大基因开发了全国首款高通量纳米孔单分子基因测序仪，单芯片设计通量达全球最高（单次运行可产出超 400Gb 数据），数据产出速率可达每分钟 100Mb，读长覆盖百 bp 至 Mbp 级别（实验室最长读长 1.1Mbp），实现不同物种单次准确率 Q20（99%）突破。华大基因技术领先、设备专利自主可控、数据管理条例完善，可保障数据产出质量以及民族遗传数据安全。 专家姓名： 工作单位： 专家3: 项目组将开展慢性高原疾病人群队列多组学研究，采集长读长全基因组数据、短读长全基因组数据以及短读长甲基化数据进行慢性高原病机制研究。 华大为国内首个掌握“短读长”及“长读长”测序工具的机构，同时具备知识专利可控的长读长、短读长平台，具备CKB、ChinaMAP等大队列基因组项目经验，技术资源充足，能保证项目高效高质量完成测序任务。 专家姓名 工作单位：

扫描全能王 创建

	2025年09月30日

扫描全能王 创建